

que se obtuvieron 598 pupas (85.7% SL) y 582 mariposas sanas (97,3% MS) y T5=833 larvas y 708 pupas (85% SL) con 690 mariposas sanas (97,5% MS).

- Las especies *Panacea prola amazonica*, *Battus polydamas polydamas* y *Morpho achilles* no se reprodujeron en ninguno de los tratamientos.

### Potencial Nutraceutico, Caracterización química y genética de palmeras promisorias del complejo Attalea: *Attalea moorei* (shapaja), *Attalea sp.* (shebón), *Attalea salazarii* (sheboncillo")

Cooperación: PCM / FINCYT - IIAP

Víctor Erasmo Sotero Solís, Ericka Jeannette Dávila Guerrero, Claudia Merino Zegarra, Ángel Martín Rodríguez del Castillo.

El objetivo del presente proyecto es realizar la caracterización química y genética de tres especies amazónicas del complejo *Attalea*, que reúne cinco taxa, anteriormente considerados géneros diferentes: *Attalea*, *Orbignya*, *Maximiliana*, *Scheela* e *Ynesa*. Se caracterizó químicamente el endosperma de los frutos de *Attalea moorei*, *Attalea sp.* y *Attalea salazarii* que fueron colectadas en la región amazónica peruana. En la composición centesimal para las especies presentó mayor porcentaje en grasas: 23.02%, 18.03% y 19.47%; para *Attalea moorei*, *Attalea sp.* y *Attalea salazarii* respectivamente. La identificación de aminoácidos, se realizó mediante la cromatografía de capa fina y se observa que los frutos de las palmeras presentan todos los aminoácidos esenciales. En la caracterización de ácidos grasos presenta mayor concentración de ácido láurico la especie *Attalea salazarii* (51.8%), como se observa en la siguiente tabla. En la separación de compuesto se obtuvo cinco compuestos puros en *Attalea salazarii* y dos compuestos puros en *Attalea sp.*



Frutos de *Attalea moorei*, *Attalea sp.* y *Attalea salazarii*

Tabla. Composición de principales ácidos grasos de las almendras

Ácidos grasos	<i>Attalea moorei</i>	<i>Attalea sp.</i>	<i>Attalea salazarii</i>
Ácido laurico, g/100g	44,4 ± 0,25 <sup>a</sup>	47,9 ± 0,70 <sup>b</sup>	51,8 ± 0,53 <sup>c</sup>
Ácido mirístico, g/100g	18,7 ± 0,10 <sup>a</sup>	15,5 ± 0,87 <sup>b</sup>	15,4 ± 0,52 <sup>b</sup>
Ácido oleico, g/100g	11,8 ± 0,17 <sup>a</sup>	9,5 ± 0,21 <sup>b</sup>	7,5 ± 0,45 <sup>c</sup>

En la parte de biología molecular se está trabajando en la filogenia de ocho especies de *Attalea* (*A. moorei*, *A. tessmanni*, *A. salazarii*, *A. maripa*, *A. ferruginea*, *A. plowmannii*, *A. polysticha* y *Attalea sp.*) mediante secuenciamiento nucleotídico utilizando el marcador ORSC2-007, para establecer las relaciones entre estas especies, teniendo como grupos externos otras tres especies: *Elaeis guinensis*, *Astrocaryum chambira* y *Bactris gasipaes*. Además se estudió la variabilidad genética de 6 poblaciones de *Attalea moorei* (Bagazán, Supay, Colpa, Cedamillo, Shapaja y Chayahuaqui) con marcadores DALP (Direct Amplification Length Polymorphism).